

Methodenliste – Molekularpathologie

Parameter/Panel	IVDR-Klassifizierung	Zweckbestimmung
BRCA 1/2-Panel	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im BRCA1- und BRCA2-Gen an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
ESR1-PIK3CA-Panel	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im ESR1- und PIK3CA-Gen an aus Liquid Biopsy Proben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
FGFR-Panel	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im FGFR1-4-Gen an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
GIST-Panel	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im KIT- und PDGFRA-Gen an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
nNGM Diagnostik NSCLC (V3.0)	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis von Mutationen der im Panel enthaltenen Gene an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
Mamma-Panel	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im AKT-, ESR1-, PIK3CA- und PTEN-Gen an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie

Myeloisches Panel	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis von Mutationen der im Panel enthaltenen Gene an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
RAS-BRAF-TP53-Panel	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im RAS-, BRAF- und TP53-Gen an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
RNA Fusion Panel	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Next-Generation-Sequenzierung (NGS) Panel-Sequenzierung zum Nachweis von Fusionen der im Panel enthaltenen Gene an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner RNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
BRAF Exon 11 und 15	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 11 und Exon 15 des BRAF-Gens (inkl. Codon 600) an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
CALR Exon 9	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 9 des CALR-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
CTNNB1 Exon 3	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 3 des CTNNB1-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
CXCR4 Exon 1	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 1 des CXCR4-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
EGFR Exon 18, 19 und 21	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 18, 19 und 21 des EGFR-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie

ID3 Exon 1 und 2	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 1 und 2 des ID3-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
IDH1 Exon 4	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 4 des IDH1-Gens (inkl. Codon 132) an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
JAK2 Exon 12	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 12 des JAK2-Gens (inkl. Codon 617) an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
KIT Exon 9, 11, 13 und 17	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 9, 11, 13 und 17 des KIT-Gens (inkl. Codon 816 im Exon 17) an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
KRAS Exon 2-4	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 2 bis 4 des KRAS-Gens (inkl. Codon 12, 13, 59, 61, 117 und 146) an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
MET Exon 14-Skipping	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis des Exon 14-Skippings im MET-Gen an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner RNA/cDNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
MPL Exon 10	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 10 des MPL-Gens (inkl. Codon 515) an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
NRAS Exon 2-4	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 2 bis 4 des NRAS-Gens (inkl. Codon 12, 13, 59, 61, 117 und 146) an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie

NOTCH1 Exon 26, 27 und 34	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 26, 27 und 34 des NOTCH1-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
PDGFRA Exon 12 und 18	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 12 und 18 des PDGFRA-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
PIK3CA Exon 8, 10 und 21	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 8, 10 und 21 des PIK3CA-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
POLE Exon 9, 11, 13 und 14	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 9, 11, 13 und 14 des POLE-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
SF3B1 Exon 14 und 15	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 14 und 15 des SF3B1-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
SRSF2 Exon 1	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 1 des SRSF2-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
TP53 Exon 4-8	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Sequenzierung zum Nachweis einer Mutation im Exon 4 bis 8 des TP53-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie
JAK2 V617F	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Allel-spezifische PCR (ASPCR) zum Nachweis der V617F-Mutation im Exon 14 des JAK2-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapieprädiktion in der Pathologie

MYD88 L265P	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Allel-spezifische PCR (ASPCR) zum Nachweis der L265P-Mutation im Exon 5 des MYD88-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapiepräädiktion in der Pathologie
KIT D816V	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Allel-spezifische PCR (ASPCR) zum Nachweis der D816V-Mutation im Exon 17 des KIT-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung, Prognose- und Therapiepräädiktion in der Pathologie
1p36/1q25 DC	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis der Deletion der Chromosomenregion 1p36 an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
5q31/5q33 DC	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis der Deletion der Chromosomenregionen 5q31 und 5q33 an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
11q23/11q24 TC	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von 11q Aberrationen an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
ALK-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das ALK-Gen in Chromosom 2p23.1-p23.2 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
BCL2-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das BCL2-Gen in Chromosom 18q21.33 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie

BCL6-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das BCL6-Gen in Chromosom 3q27.3 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
BCR/ABL1-Fusion	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von t(9;22)(q34;q11.2) sowie komplexen Varianten von t(9;22), die zur Bildung des Fusionsgens BCR/ABL führen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
CCND1-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das CCND1-Gen in Chromosom 11q13 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
CDKN2A/CEN9 DC	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis der Deletion der Chromosomenregion die das CDKN2A-Gen in Chromosom 9p21 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
COL1A/PDGFB-Fusion	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis der Translokation t(17;22)(q21.3;q13.1), die zur Bildung des Fusionsgens COL1A1/PDGFB führen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
DDIT3-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das DDIT3-Gen in Chromosom 12q13 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie

DUSP22-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das DUSP22-Gen in Chromosom 6p25.3 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
EWSR1-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das EWSR1-Gen in Chromosom 22q12 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
FGFR2-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das FGFR2-Gen in Chromosom 10q26.3 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
FIP1L1-CHIC2-PDGFR-Deletion/Break	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis der Deletion des CHIC2-Gens in Chromosom 4q12 und der damit assoziierten Bildung des Fusionsgens FIP1L1/PDGFR führt, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
FOXO1-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das FOXO1-Gen in Chromosom 13q14 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
FUS-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das FUS-Gen in Chromosom 16p11 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeproben aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie

PML-RARA-Fusion		Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis der Translokation t(15;17)(q24;q21.2), die zur Bildung des Fusionsgens PML/RARA führen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
MALT1-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das MALT1-Gen in Chromosom 18q21 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
MDM2/CEN12 DC	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis einer Amplifikation der Kopienzahl der MDM2-Genregion in Chromosom 12q15, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
MET/CEN7 DC	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis einer Amplifikation der Kopienzahl der MET-Genregion in Chromosom 7q31, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
MYC-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das MYC-Gen in Chromosom 8q24.21 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
MYC-IGH-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis der Translokation t(8;14)(q24;q32), die zur Bildung des Fusionsgens MYC/IGH führen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie

ROS1-BAP		Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das ROS1-Gen in Chromosom 6q22.1 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
SS18-BAP	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Rearrangements, die das SS18-Gen in Chromosom 18q11.2 betreffen, an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
Y/X DC	Klasse C	Nicht automatische, quantitative Fluoreszenz in situ Hybridisierung (FISH) zum Nachweis von Chromosom X und Y alpha Satelliten an formalin-fixierte, in Paraffin eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe aller Patientengruppen durch unterwiesenes Laborpersonal zur Unterstützung der Diagnosestellung im Rahmen der Krebsvorsorge, -diagnose oder -stadieneinteilung bzw. zur Festlegung oder Überwachung therapeutischer Maßnahmen in der Pathologie
BAT25	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Fragmentlängenanalyse mittels Kapillarelektrophorese zum Nachweis von Längenveränderungen repetitiver Tumorzell-DNA des Mononukleotidmarkers BAT25 an aus formalin-fixierten, in Paraffine eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe (von Tumor- und Normalgewebe, bzw. Blut als Vergleich) isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung und Therapieprädiktion in der Pathologie
BAT26	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Fragmentlängenanalyse mittels Kapillarelektrophorese zum Nachweis von Längenveränderungen repetitiver Tumorzell-DNA des Mononukleotidmarkers BAT26 an aus formalin-fixierten, in Paraffine eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe (von Tumor- und Normalgewebe, bzw. Blut als Vergleich) isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung und Therapieprädiktion in der Pathologie
D17S250	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Fragmentlängenanalyse mittels Kapillarelektrophorese zum Nachweis von Längenveränderungen repetitiver Tumorzell-DNA des Mononukleotidmarkers D17S250 an aus formalin-fixierten, in Paraffine eingebetteten (FFPE) Gewebeprobe (von Tumor- und Normalgewebe, bzw. Blut als Vergleich) isolierter humaner DNA durch unterwiesenes Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung und Therapieprädiktion in der Pathologie

D2S123		Halbautomatische, qualitative Fragmentlängenanalyse mittels Kapillarelektrophorese zum Nachweis von Längenveränderungen repetitiver Tumorzell-DNA des Mononukleotidmarkers D2S123 an aus formalin-fixierten, in Paraffine eingebetteten (FFPE) Gewebeproben (von Tumor- und Normalgewebe, bzw. Blut als Vergleich) isolierter humaner DNA durch unterwiesenees Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung und Therapieprädiktion in der Pathologie
D5S346	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Fragmentlängenanalyse mittels Kapillarelektrophorese zum Nachweis von Längenveränderungen repetitiver Tumorzell-DNA des Mononukleotidmarkers D5S346 an aus formalin-fixierten, in Paraffine eingebetteten (FFPE) Gewebeproben (von Tumor- und Normalgewebe, bzw. Blut als Vergleich) isolierter humaner DNA durch unterwiesenees Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung und Therapieprädiktion in der Pathologie
IgH (FR2A, FR3A)	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Fragmentlängenanalyse mittels Kapillarelektrophorese zum Nachweis (oder Ausschluss) klonaler Gen-Rearrangements der FR2A- und FR3A-Region des Immunglobulinschwerkettengens an aus formalin-fixierten, in Paraffine eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenees Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung und Therapieprädiktion in der Pathologie
IgK (Tube A, B)	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Fragmentlängenanalyse mittels Kapillarelektrophorese zum Nachweis (oder Ausschluss) klonaler Gen-Rearrangements der leichten Kette des Kappa-Gens an aus formalin-fixierten, in Paraffine eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenees Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung und Therapieprädiktion in der Pathologie
TCR γ (Mix I/II)	Klasse C	Halbautomatische, qualitative Fragmentlängenanalyse mittels Kapillarelektrophorese zum Nachweis (oder Ausschluss) klonaler Gen-Rearrangements der T-Zell-Rezeptor gamma-Kette an aus formalin-fixierten, in Paraffine eingebetteten (FFPE) Gewebeproben isolierter humaner DNA durch unterwiesenees Laborpersonal für alle Patientengruppen zur Unterstützung der onkologischen Diagnosestellung und Therapieprädiktion in der Pathologie